

**Сведения  
об участнике конкурса  
на замещение должности  
научно-педагогического работника**

ФИО (полностью) Шевченко Андрей Константинович

Должность, доля ставки, специальность м.н.с.

Дата объявления конкурса в средствах массовой информации «22» июля 2015 г.

1. Место работы в настоящее время: Лаборатория «Центр геномной биоинформатики им. Ф.Г. Добржанского» СПбГУ  
*(наименование организации, подразделение, должность)*
2. Ученая степень (с указанием научной специальности, защита в диссодете при):  
магистр (аспирант) научная специальность: клеточная биология, цитология, гистология (03.03.04)
3. Ученое звание: \_\_\_\_\_
4. Стаж работы по специальности: 5 лет
5. Общее количество опубликованных работ: 9
6. Научные, учебно-методические, творческо-исполнительские работы за последние 3 года:

№ п/п	Наименование работы, ее вид	Форма работы	Выходные данные	Объем в п.л.	Соавторы
1	2	3	4	5	6
<b>1. Научные труды</b>					
	Annotated features of domestic cat - Felis catus genome.	печатная	GigaScience. 2014, 3: 13 doi:10.1186/2047-217X-3-13	11	Gaik Tamazian, Serguei Simonov, Pavel Dobrynin, Alexey Makunin, Anton Logachev, Aleksey Komissarov, <b>Andrey Shevchenko</b> , Vladimir Brukhin, Nikolay Cherkasov, Anton Svitin,

					Klaus-Peter Koepfli, Joan Pontius, Carlos A Driscoll, Kevin Blackistone, Cristina Barr, David Goldman, Agostinho Antunes, Javier Quilez, Belen Lorente-Galdos, Can Alkan, Tomas Marques-Bonet, Marylin Menotti-Raymond, Victor A David, Kristina Narfström and Stephen J O'Brien.
	GWATCH: a web platform for automated gene association discovery analysis	печатная	GigaScience, 3, 18. doi:10.1186/2047-217X-3-18	16	Svitin A, Malov S, Cherkasov N, Geerts P, Rotkevich M, Dobrynin P, <b>Shevchenko A</b> , Guan L, Troyer J, Hendrickson S, Dilks HH, Oleksyk TK, Donfield S, Gomperts E, Jabs DA, Sezgin E, Van Natta M, Harrigan PR, Brumme ZL, O'Brien SJ
<b>2. Учебно-методические труды</b>					
	Genome Associations Discovery. Part 1: Statistical Method.	печатная	Computer Methods in Education. ISSN: 2077-7647, 2013,-№5,-p17-32.	16	Sergey V. Malov, Andrey K. Shevchenko, Stephen J. O'Brien
	Genome Associations Discovery. Part 2: Multiple Testing Problem, Computer Tools and Applications.ak	печатная	Computer Methods in Education. ISSN: 2071-2340, 2013,-№6,-p.3-17.	15	Sergey V. Malov, Andrey K. Shevchenko, Stephen J. O'Brien.

Сведения, содержащиеся в п.п. 1-16 настоящего документа публикуются на официальном сайте СПбГУ и представляются членам Ученого Совета Факультета (Ученого Совета СПбГУ) в соответствии с п.п. 3.3. Положения о конкурсе на замещение должностей профессорско-преподавательского состава СПбГУ от 06.07.2012

--	--	--	--	--	--

7. Наиболее значимые работы за предшествующие годы (указываются по усмотрению претендента без дублирования с п.6):

№ п/п	Наименование работы, ее вид	Форма работы	Выходные данные	Объем в п.л.	Соавторы
1	2	3	4	5	6
<b>1. Научные труды</b>					
1	Prevalence and incidence of HIV infection among IDUs in St. Petersburg, Russia.	печатная	Russian Journal of AIDS, cancer and public health.-2010.- V.14.-№1.-p.57-58	2	Verevchkin S.V., Gagarina S.Yu., Shevchenko A.K., Skochilov R.V., Shaboltas A.V., Toussova O.V., Kozlov A.P.
2	The search of acute and early HIV infection cases.	печатная	Russian Journal of AIDS, cancer and public health.-2010.- V.14.-№1.-p.40.	1	Verevchkin S.V., Gagarina S.Yu., Shevchenko A.K., Skochilov R.V., Shaboltas A.V., Toussova O.V., Kozlov A.P.
3	A significant transmission bottleneck among newly and recently HIV-1-infected IDU in St. Petersburg, Russia.	печатная	Abstracts of 17th Conference on Retroviruses and Opportunistic Infections, 2010, San Francisco, USA.-#477.	1	E. Dukhovlinova, A. Masharsky, S. Verevchkin, A. Shevchenko, O. Toussova, R. Skochilov, J. Anderson, M. Cohen, R. Swanstrom, A. Kozlov.
<b>2. Учебно-методические труды</b>					

8. Общее количество публикаций в базах данных:

Web of Science Core Collection -- \_\_\_\_\_ / индекс Хирша \_\_\_\_\_

Scopus - \_\_\_\_\_ / индекс Хирша \_\_\_\_\_

9. Количество публикаций в базах данных за последние три года:

Web of Science Core Collection \_\_\_\_\_

или Scopus \_\_\_\_\_.

РИНЦ - 2

10. Опыт научного руководства и консультирования (за последние 3 года):

Количество	Тема исследования	Научная специальность	Дата защиты (месяц, год)
ВКР бакалавров			
ВКР специалистов			
Магистерские диссертации			
Кандидатские			

Сведения, содержащиеся в п.п. 1-16 настоящего документа публикуются на официальном сайте СПбГУ и представляются членам Ученого Совета Факультета (Ученого Совета СПбГУ) в соответствии с п.п. 3.3. Положения о конкурсе на замещение должностей профессорско-преподавательского состава СПбГУ от 06.07.2012

диссертации				
Докторские диссертации				
Число выпускников аспирантуры / число защитившихся в срок				

11. Опыт учебно-методической работы за последние 3 года:

- число разработанных и реализованных курсов (название курса и на каком направлении/специальности реализован)
- число учебников, учебных пособий, прошедших редакционно-издательскую обработку (название, название изд-ва и город, год издания, кол-во страниц)

12. Количество заявок, поданных за последние три года, с целью получения финансирования на выполнение научных исследований:

- от российских научных фондов

- a) Исполнитель Гранта Правительства РФ для поддержки научных исследований, проводимых под руководством ведущих учёных в российских учреждениях высшего профессионального образования. Научное исследование по направлению "Биология. Биоинформатика. Биомедицинские технологии. Этика. Охрана природы"  
Договор N 11.G34.31.0068  
Номер гранта в системе СПбГУ 1.34.1777.2011

- b) Исполнитель гранта «Изучение медицински-значимых геномных детерминант превалирующих в населении РФ». НИР из средств СПбГУ. Мероприятие 1/14. Проведение фундаментальных исследований по актуальной междисциплинарной тематике (комплексные проекты)  
Шифр 1.37.173.2014

- от зарубежных научных фондов

- из других источников

Количество договоров на выполнение научных исследований, в которых за последние три года претендент участвовал в качестве **руководителя (ответственного исполнителя)**, с указанием **года заключения, срока, названия и объема финансирования каждого**:

- от российских научных фондов
- от зарубежных научных фондов
- из других источников

13. Сведения об экспертной деятельности (членство в диссертационных советах, Экспертном совете ВАК, научно-технических РАН, иных советах) \_\_\_\_\_

14. Сведения о членстве в редколлегиях научных журналов, оргкомитетах научных конференций \_\_\_\_\_

15. Сведения о почетных и академических званиях, международных, государственных, академических и иных премиях, победах в международных и всероссийских конкурсах

16. Иные сведения о научно-педагогической /творческо-исполнительской деятельности (по усмотрению претендента)

До 2012 года занимался изучением генетических особенностей ВИЧ. С 2012 года работаю в лаборатории «Центр геномной биоинформатики им. Ф.Добржанского» по нескольким направлениям.

С 2012 года занимаюсь исследованием человеческих генетических факторов, ответственных за эффективность инфицирования ВИЧ и динамику развития ВИЧ-инфекции.

*Сведения, содержащиеся в п.п. 1-16 настоящего документа публикуются на официальном сайте СПбГУ и представляются членам Ученого Совета Факультета (Ученого Совета СПбГУ) в соответствии с п.п. 3.3. Положения о конкурсе на замещение должностей профессорско-преподавательского состава СПбГУ от 06.07.2012*

Текущая тема кандидатской диссертации «Исследование генетических полиморфизмов человека, влияющих на эффективность заражения ВИЧ и развитие СПИД» напрямую связана с данным исследованием. В рамках данной работы проаодится анализ данных полногеномного секвенирования и генотипирования участников когорт в Ботсване и США с целью выявления генетических детерминант связанных с эффективностью заражения ВИЧ и динамикой развития ВИЧ-инфекции.

Также веду исследование генетических детерминант, ответственных за вероятность появления нозофаренгиальной карциномы на данных Китайской когорте.

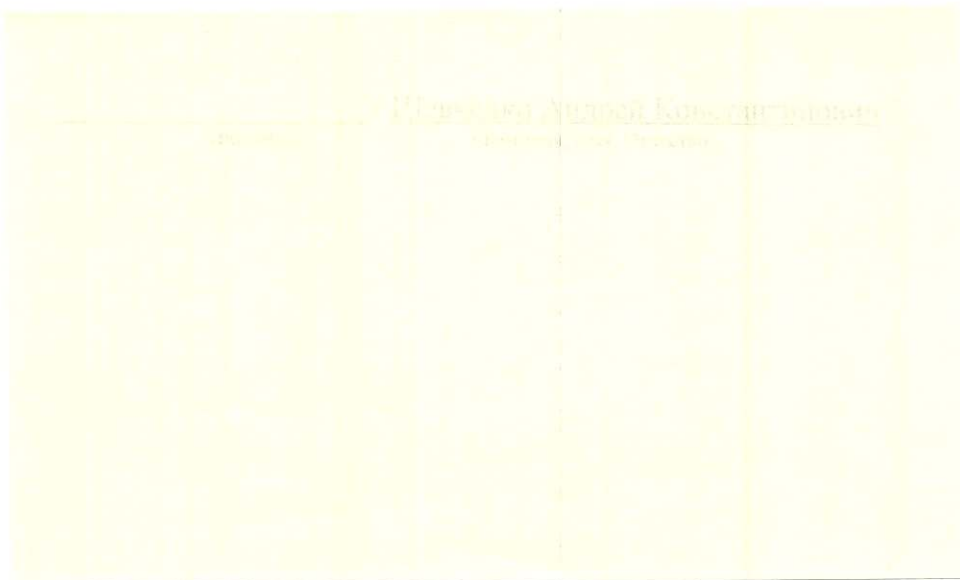
Помимо этого, в области популяционной генетики человека, в рамках гранта «Изучение медицински-значимых геномных детерминант превалирующих в населении РФ» занимаюсь исследованием генетического разнообразия населения РФ, построением карт гаплотипов, изучением распространенности медицински-значимых геномных детерминант превалирующих в населении РФ.

В области генетики животных принимал участие в аннотации генома кошки и других млекопитающих.

Основную часть вышеизложенной работы представляет биоинформатическая составляющая, а именно работа с большими объемами данных с применением знаний в области популяционной генетики навыков программирования на языках Python и R (переформатирование данных, написание фильтров, сортировка данных, обнаружение сигнала, работа с базами данных). Опыт работы с геномными данными, аннотирования геномных последовательностей, проведения молекулярно-биологических исследований с использованием методов экстракции нуклеиновых кислот, ПЦР в реальном времени и гель-электрофореза, проведения пробоподготовки и работы на секвенаторе Illumina MySeq, работы с геномными базами данных (NCBI, Ensembl и другими), программирования на python, R, MySQL, навыки работы в UNIX-подобных операционных системах, подтвержден на международных и российских конференциях.

---

Соискатель



**СПИСОК**  
**опубликованных и приравненных к ним**  
**научных и учебно-методических работ**  
 Шевченко Андрея Константиновича

№ п/п	Наименование работы, ее вид	Форма работы	Выходные данные	Объем в с.	Соавторы
<b>а) научные работы</b>					
<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>
1.	Analysis of <i>env</i> gene inpatient diversity in injection drug users with acute/early HIV-1 subtype A infection reveals a genetic bottleneck effect./тезисы конференции	печатная	Abstracts of the Third Eastern Europe and Central Asia AIDS Conference, 2009, Moscow, Russia. – V. 2, p. 41	1	Abstracts of the Third Eastern Europe and Central Asia AIDS Conference, 2009, Moscow, Russia. – V. 2, p. 41
2.	Analysis of <i>env</i> gene inpatient diversity in injection drug users with acute/early HIV-1 subtype A infection reveals a genetic bottleneck effect. Abstracts of 18-th International Conference “AIDS, cancer and public health/тезисы	печатная	2009, St. Petersburg, Russia. Russian Journal of AIDS, cancer and public health.- 2009.-V.13.-№2.-p.66-67.	2	Masharskiy A., Dukhovlinova E., Anderson J., Verevochkin S., Timofeeva M., Gagarina S., <b>Shevchenko A.</b> , Toussova O., Skochilov R., Hoffman I., Swanstrom R., Kozlov A.
3.	A significant transmission bottleneck among newly and recently HIV-1-infected IDU in St. Petersburg, Russia./тезисы	печатная	Abstracts of 17th Conference on Retroviruses and Opportunistic Infections, 2010, San Francisco, USA.- #477.	1	E. Dukhovlinova, A. Masharsky, S. Verevochkin, <b>A. Shevchenko</b> , O. Toussova, R. Skochilov, J. Anderson, M. Cohen, R. Swanstrom, A. Kozlov
4	Prevalence and incidence of HIV infection among IDUs in St. Petersburg, Russia./ тезисы	печатная	Abstracts of 19-th International Conference “AIDS, cancer and public health”, 2010, St. Petersburg, Russia. Russian Journal of AIDS, cancer and public health.-2010.-V.14.- №1.-p.57-58.	2	Verevochkin S.V., Gagarina S.Yu., <b>Shevchenko A.K.</b> , Skochilov R.V., Shabolts A.V., Toussova O.V., Kozlov A.P.
5	The search of acute and early HIV infection cases./тезисы	печатная	Abstracts of 19-th International Conference “AIDS, cancer and public health”, 2010, St. Petersburg, Russia. Russian Journal of AIDS, cancer and public health.-2010.-V.14.-№1.- p.40	1	<b>Shevchenko A.K.</b> , Verevochkin S.V., Masharsky A.E., Dukhovlinova E.N., Olshansky A.Ya., Mazus A.I., Kozlov A.P.

6	Genome Associations Discovery. Part 1: Statistical Method./статья	печатная	Computer Methods in Education. ISSN: 2077-7647, 2013,-№5,-p17-32	15	Sergey V. Malov, <b>Andrey K. Shevchenko</b> , Stephen J. O'Brien
7	Genome Associations Discovery. Part 2: Multiple Testing Problem, Computer Tools and Applications./статья	печатная	Computer Methods in Education. ISSN: 2071-2340, 2013,-№6,-p.3-17	14	Computer Methods in Education. ISSN: 2071-2340, 2013,-№6,-p.3-17
8	Annotated features of domestic cat - Felis catus genome/статья	печатная	GigaScience. 2014, 3:13 doi: 10.1186/2047-217X-3-13	10	Gaik Tamazian, Serguei Simonov, Pavel Dobrynin, Alexey Makunin, Anton Logachev, Aleksey Komissarov, <b>Andrey Shevchenko</b> , Vladimir Brukhin, Nikolay Cherkasov, Anton Svitin, Klaus-Peter Koepfli, Joan Pontius, Carlos A Driscoll, Kevin Blackistone, Cristina Barr, David Goldman, Agostinho Antunes, Javier Quilez, Belen Lorente-Galdos, Can Alkan, Tomas Marques-Bonet, Marilyn Menotti-Raymond, Victor A David, Kristina Narfström and Stephen J O'Brien
9	GWATCH: a web platform for automated gene association discovery analysis./статья	печатная	GigaScience, 3, 18. doi:10.1186/2047-217X-3-18	15	Svitin A, Malov S, Cherkasov N, Geerts P, Rotkevich M, Dobrynin P, <b>Shevchenko A</b> , Guan L, Troyer J, Hendrickson S, Dilks HH, Oleksyk TK, Donfield S, Gomperts E, Jabs DA, Sezgin E, Van Natta M, Harrigan PR, Brumme ZL, O'Brien SJ. (2014).

**б) авторские свидетельства, дипломы, патенты и др.**

<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>
----------	----------	----------	----------	----------	----------

3.	Эпитопное картирование антигена <i>Treponema pallidum</i> 17 кДа с использованием синтетических пептидов (диплом бакалавра)	рукопись	-	60	
	Анализ генетического разнообразия вирусной популяции в организме при острой ВИЧ-инфекции (диплом магистра)	рукопись	-	66	
<b>в) учебно-методические работы</b>					
<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>
4.					
Количество публикаций в базах данных: за весь срок/за последние пять лет, индекс Хирша					
				Scopus:	
				Web of Science:	
				РИНЦ:	2

Соискатель

