

**Сведения
об участнике конкурса
на замещение должности
научно-педагогического работника**

ФИО (полностью) Добрынин Павел Владимирович
Должность, доля ставки, специальность младший научный сотрудник, полная ставка,
Лаборатория «Центр геномной биоинформатики им. Ф.Г. Добржанского»

Дата объявления конкурса в средствах массовой информации «22» июля 2015 г.

1. Место работы в настоящее время: лаборатория 'Центр геномной биоинформатики
Им. Ф.Г. Добржанского', СПбГУ

(наименование организации, подразделение, должность)

2. Ученая степень (с указанием научной специальности, защита в диссодете при:)

3. Ученое звание: _____

4. Стаж работы по специальности: 5 лет

5. Общее количество опубликованных работ: 7

6. Научные, учебно-методические, творческо-исполнительские работы за последние
3 года:

№ п/п	Наименование работы, ее вид	Форма работы	Выходные данные	Объем в п.л.	Соавторы
1	2	3	4	5	6
1. Научные труды					
1	The novelty of human cancer/testis antigen encoding genes in evolution	Печатный	International Journal of Genomics, 2013	5	Pavel Dobrynin, Ekaterina Matyunina, SV Malov, AP Kozlov
2	Annotated features of domestic cat–Felis catus genome	Печатный	GigaScience, Volume 3, Issue 1, 2104	13	Gaik Tamazian, Serguei Simonov, Pavel Dobrynin, Alexey Makunin, Anton Logachev. Stephen J O'Brien
3	Genome-wide Mycobacterium tuberculosis variation (GMTV) database: a new tool for integrating	Печатный	BMC genomics, Volume 15,	3	Ekaterina N Chernyaeva, Marina V

	sequence variations and epidemiology		Issue 1, 2014		Shulgina, Mikhail S Rotkevich, Pavel V Dobrynin, Serguei A Simonov, JO Stephen
4	GWATCH: a web platform for automated gene association discovery analysis	Печатный	GigaScience , Volume 3, Issue 1, 2104	18	Anton Svitin, Sergey Malov, Nikolay Cherkasov, Paul Geerts, Mikhail Rotkevich, Pavel Dobrynin, Andrey Shevchenko, Li Guan, Jennifer Troyer, Sher Hendrickson, Holli Hutcheson Dilks, Taras K Oleksyk, Sharyne Donfield, Edward Gomperts, Douglas A Jabs, Efe Sezgin, Mark Van Natta, P Richard Harrigan, Zabrina L Brumme, Stephen J O'Brien
5	141 Gene Discovery and Data Sharing in Genome Wide Association Analyses: lessons form AIDS genetic restriction genes	Печатный	Journal of Acquired Immune Deficiency Syndromes, Volume 65, 2014	59	Stephen J O'Brien, Anton Svitin, Sergey Malov, Nikolay Cherkazov, Pavel Dobrynin, Paul Geerts, Jennifer Troyer, Sher Hendrickson- Lambert, Efe Sezgin, Holli Hutcheson
6	Population and Comparative Genomics Reveals Demographic History and Adaptation of <i>Panthera</i>	Печатный	ICG9, 2014, poster 25	1	Long Zhou, Shiping Liu, Pasha Dobrynin,

Сведения, содержащиеся в п.п. 1-16 настоящего документа публикуются на официальном сайте СПбГУ и представляются членам Ученого Совета Факультета (Ученого Совета СПбГУ) в соответствии с п.п. 3.3. Положения о конкурсе на замещение должностей профессорско-преподавательского состава СПбГУ от 06.07.2012

	<i>leo</i>				Klaus-Peter Koepfli, Fang Li Jian Yi, Zijun Xiong, Stephen J. O'Brien, Guojie Zhang
7	Sequencing, assembly and comparative genomics analysis of Cuban amazon parrot genome <i>Amazona leucocephala</i>	Печатный	SMBE 2014	1	Dobrynin, P, Rivera, I., and Oleksyk T.K
1					

7. Наиболее значимые работы за предшествующие годы (указываются по усмотрению претендента без дублирования с п.6):

№ п/п	Наименование работы, ее вид	Форма работы	Выходные данные	Объем в п.л.	Соавторы
1	2	3	4	5	6
1. Научные труды					
1	The novelty of human cancer/testis antigen encoding genes in evolution	Печатный	International Journal of Genomics, 2013	5	Pavel Dobrynin, Ekaterina Matyunina, SV Malov, AP Kozlov
2	Annotated features of domestic cat– <i>Felis catus</i> genome	Печатный	GigaScience, Volume 3, Issue 1, 2104	13	Gaik Tamazian, Serguei Simonov, Pavel Dobrynin, Alexey Makunin, Anton Logachev. Stephen J O'Brien
3	Genome-wide Mycobacterium tuberculosis variation (GMTV) database: a new tool for integrating sequence variations and epidemiology	Печатный	BMC genomics, Volume 15, Issue 1, 2014	3	Ekaterina N Chernyaeva, Marina V Shulgina, Mikhail S Rotkevich, Pavel V Dobrynin, Serguei A Simonov, JO

Сведения, содержащиеся в п.п. 1-16 настоящего документа публикуются на официальном сайте СПбГУ и представляются членам Ученого Совета Факультета (Ученого Совета СПбГУ) в соответствии с п.п. 3.3. Положения о конкурсе на замещение должностей профессорско-преподавательского состава СПбГУ от 06.07.2012

					Stephen
4	GWATCH: a web platform for automated gene association discovery analysis	Печатны й	GigaScience , Volume 3, Issue 1, 2104	18	Anton Svitin, Sergey Malov, Nikolay Cherkasov, Paul Geerts, Mikhail Rotkevich, Pavel Dobrynin, Andrey Shevchenko, Li Guan, Jennifer Troyer, Sher Hendrickson, Holli Hutcheson Dilks, Taras K Oleksyk, Sharyne Donfield, Edward Gomperts, Douglas A Jabs, Efe Sezgin, Mark Van Natta, P Richard Harrigan, Zabrina L Brumme, Stephen J O'Brien

2. Учебно-методические труды

8. Общее количество публикаций в базах данных:

Web of Science Core Collection – 3 / индекс Хирша _____

Scopus - _____ / индекс Хирша _____

9. Количество публикаций в базах данных за последние три года:

Web of Science Core Collection 3

или Scopus _____.

10. Опыт научного руководства и консультирования (за последние 3 года):

Количество	Тема исследования	Научная специальность	Дата защиты (месяц, год)
ВКР бакалавров			

ВКР специалистов				
Магистерские диссертации				
Кандидатские диссертации				
Докторские диссертации				

Число выпускников аспирантуры / число защитившихся в срок

11. Опыт учебно-методической работы за последние 3 года:

- число разработанных и реализованных курсов (название курса и на каком направлении\специальности реализован)
- число учебников, учебных пособий, прошедших редакционно-издательскую обработку (название, название изд-ва и город, год издания, кол-во страниц)

12. Количество заявок, поданных за последние три года, с целью получения финансирования на выполнение научных исследований:

- от российских научных фондов
- от зарубежных научных фондов
- из других источников

Количество договоров на выполнение научных исследований, в которых за последние три года претендент участвовал в качестве **руководителя (ответственного исполнителя)**, с указанием **года заключения, срока, названия и объема финансирования каждого:**

- от российских научных фондов
- от зарубежных научных фондов
- из других источников

13. Сведения об экспертной деятельности (членство в диссертационных советах, Экспертном совете ВАК, научно-технических РАН, иных советах) _____

14. Сведения о членстве в редколлегиях научных журналов, оргкомитетах научных конференций _____

15. Сведения о почетных и академических званиях, международных, государственных, академических и иных премиях, победах в международных и всероссийских конкурсах

16. Иные сведения о научно-педагогической /творческо-исполнительской деятельности (по усмотрению претендента). Опыт работы с геномными данными (включая сборку генома и статистическую обработку), в том числе поиск генетических ассоциаций (GWAS) с использованием методов аннотирования геномных последовательностей прокариот и эукариот, проведения молекулярно-биологических исследований с использованием методов экстракции нуклеиновых кислот, ПЦР в реальном времени и гель-электрофореза, проведения пробоподготовки и работы на секвенаторе Illumina MySeq, работы с геномными базами данных (NCBI, Ensembl и другими), программирования на python, R, MySQL, навыки работы в UNIX-подобных операционных системах, подтвержден в двух международных конференциях.

Соискатель

Доктор биологических наук, профессор

СПИСОК
опубликованных и приравненных к ним
научных и учебно-методических работ
Добрынин Павел Владимирович

№ п/п	Наименование работы, ее вид	Форма работы	Выходные данные	Объем в с.	Соавторы
а) научные работы					
1	2	3	4	5	6
1	The novelty of human cancer/testis antigen encoding genes in evolution	Печатный	International Journal of Genomics, 2013	5	Pavel Dobrynin, Ekaterina Matyunina, SV Malov, AP Kozlov
2	Annotated features of domestic cat– <i>Felis catus</i> genome	Печатный	GigaScience, Volume 3, Issue 1, 2104	13	Gaik Tamazian, Serguei Simonov, Pavel Dobrynin, Alexey Makunin, Anton Logachev. Stephen J O'Brien
3	Genome-wide Mycobacterium tuberculosis variation (GMTV) database: a new tool for integrating sequence variations and epidemiology	Печатный	BMC genomics, Volume 15, Issue 1, 2014	3	Ekaterina N Chernyaeva, Marina V Shulgina, Mikhail S Rotkevich, Pavel V Dobrynin, Serguei A Simonov, JO Stephen

4	GWATCH: a web platform for automated gene association discovery analysis	Печатный	GigaScience, Volume 3, Issue 1, 2104	18	Anton Svitin, Sergey Malov, Nikolay Cherkasov, Paul Geerts, Mikhail Rotkevich, Pavel Dobrynin, Andrey Shevchenko, Li Guan, Jennifer Troyer, Sher Hendrickson, Holli Hutcheson Dilks, Taras K Oleksyk, Sharyne Donfield, Edward Gomperts, Douglas A Jabs, Efe Sezgin, Mark Van Natta, P Richard Harrigan, Zabrina L Brumme, Stephen J O'Brien
5	141 Gene Discovery and Data Sharing in Genome Wide Association Analyses: lessons form AIDS genetic restriction genes	Печатный	Journal of Acquired Immune Deficiency Syndromes, Volume 65, 2014	59	Stephen J O'Brien, Anton Svitin, Sergey Malov, Nikolay Cherkazov, Pavel Dobrynin, Paul Geerts, Jennifer Troyer, Sher Hendrickson-Lambert, Efe Sezgin, Holli Hutcheson
б) авторские свидетельства, дипломы, патенты и др.					
1	2	3	4	5	6
3.					

в) учебно-методические работы					
1	2	3	4	5	6
4.					
Количество публикаций в базах данных: за весь срок/за последние пять лет, индекс Хирша					
				Scopus:	5/5 h=3
				Web of Science:	5/5 h=3
				РИНЦ:	5/5 h=3

Соискатель

