

**Сведения
об участнике конкурса
на замещение должности научно-педагогического работника**

ФИО (полностью) Симонов Сергей Александрович

Замещаемая должность, доля ставки старший научный сотрудник (1 ставка)

Кафедра (подразделение) Лаборатория «Центр Геномной Биоинформатики им Ф. Добржанского (СПбГУ)

Дата объявления конкурса 19 июня 2014

1. Место работы в настоящее время (организация, должность) с.н.с. , Лаборатория «Центр геномной биоинформатики им. Ф. Добржанского»
2. Ученая степень (с указанием научной специальности) к.ф.-м.н. по специальности 05-13-01 Математическое обеспечение вычислительных систем и комплексов
3. Ученое звание не имею
4. Стаж научно-педагогической работы 18 лет
5. Общее количество опубликованных работ 33
6. Научные, учебно-методические, творческо-исполнительские работы за последние 5 лет или с момента последнего избрания по конкурсу:

№ п/п	Наименование трудов	Рукопись или печатные	Название издательства, журнала (номер, год) или номер авторского свидетельства	Количество печатных листов или страниц	Фамилия соавторов работ
1	2	3	4	5	6
1.	Браузер для генома	Печ.	Компьютерные технологии в образовании 14 2013	10	A. Макунин S. O'Brien
2.	Genome-wide Mycobacterium tuberculosis variation (GMTV) database: a new tool for integrating sequence variations and epidemiology	Печ.	BMC genomics 15 (1), 308, 2014	8	Chernyaeva, MV Shulgina, MS Rotkevich, PV Dobrynin, S. O'Brien
3.					
4.					

7. Наиболее значимые работы за предшествующие годы (указываются по усмотрению претендента)

№ п/п	Наименование трудов	Рукопись или печатные	Название издательства, журнала (номер, год) или номер авторского свидетельства	Количество печатных листов или страниц	Фамилия соавторов работ
1	2	3	4	5	6
1.	Recognition of loop parallelizm by simulated execution	Печ.	Cybernetics 1081	6	N. Mirenkov
2.	Highly effecient alorgythms for static analysis of parallel programs	Печ.	Conf Proceedings PACT91	11	N. Mirenkov
3.	Technological of Supercomputing Report About the Conference	Печ.	PCWeek, Dec 2001	2	

	"Parallel Computing Technologies 2001»				
4.	Organizational Genetics: Regulation and Control Mechanisms in Human Genome.	Печ	10th International conference. Proceedings: Information Technologies in Medicine and ecology 2002	2	Pravdin S.S., Simonov S.A., Blinov V.M., Golosov I.S., Kiselev L.L., Arutunov Yu.A., Denisov S.I., Saraev D.V.

8. **Индекс Хирша РИНЦ** 0

Индекс Хирша Web of Science Core Collection, 0

Индекс Хирша Scopus 0

Количество публикаций в базах данных РИНЦ, 0

Количество публикаций в базах данных Web of Science Core Collection, 5

Количество публикаций в базах данных Scopus 3

9. Сведения об аспирантах и соискателях, защитивших диссертации под научным руководством претендента

Количество аспирантов/докторантов	Тема диссертационного исследования	Научная специальность	Дата защиты
Кандидатские диссертации			
Докторские диссертации			

10. Сведения об участии в научно-исследовательских проектах, программах, грантах (за последние 5 лет или с момента последнего избрания по конкурсу):

- - участвовал в проекте ENCODE в составе лаборатории в UNC Chapel Hill
- - Участвовал (2012-2014) в составе Лаборатории в работе по Гранту Правительства Российской Федерации для государственной поддержки научных исследований, проводимых под руководством ведущих ученых в российских образовательных учреждениях высшего профессионального образования. Номер гранта 11.G34.31.0068 под руководством Стефена О'Брайена

11. Сведения об экспертной деятельности (членство в диссертационных советах, Экспертном совете ВАК, научно-технических советах РАН, иных советах): нет

12. Сведения о членстве в редколлегиях научных журналов, оргкомитетах научных конференций: нет

13. Сведения о почетных и академических званиях, международных, государственных, академических и иных премиях, победах в международных и всероссийских конкурсах: нет

14. Иные сведения о научно-педагогической/ творческо-исполнительской деятельности (по усмотрению претендента).

К.ф-м.н. в области информатики и математики с углубленным знанием биоинформационных технологий, навыками и опытом анализа генетических и белковых последовательностей, в том числе владеющий современными инструментами для компьютерного анализа генетических последовательностей. Широкий опыт в создании и использовании новых средств, используемых в генетических исследованиях, технологий "клиент-сервер". Со знанием многих языков программирования в том числе ориентированных на вэб технологии (Perl, JavaScript, PHP, MySQL, HTML), графическими и офисными приложениями, в том числе различными CMS. Имеющий опыт работы на исследовательских и преподавательских должностях в российских и западных университетах (более пяти лет преподавания и руководства квалификационными работами в НГУ и НГТУ). Опыт работы в зарубежных университетах (Латвия – Рига 2005, США UNC Chapel Hill 2009, Boise State University 2010), владеюще устным и письменным английским языком.