

**Сведения  
об участнике конкурса  
на замещение должности научно-педагогического работника**

ФИО (полностью) Шевченко Андрей Константинович

Замещаемая должность, доля ставки м.н.с. 1.0 ставки

Кафедра (подразделение) Лаборатория «Центр геномной биоинформатики им.Ф.Г. Добржанского»

Дата объявления конкурса 19.06.2014

1. Место работы в настоящее время (организация, должность) лаборатория Центр геномной биоинформатики им Ф.Г.Добржанского, младший научный сотрудник, СПбГУ
2. Ученая степень (с указанием научной специальности) \_\_\_\_\_
3. Ученое звание \_\_\_\_\_
4. Стаж научно-педагогической работы 1 год (стаж работы по специальности 7 лет).
5. Общее количество опубликованных работ 7
6. Научные, учебно-методические, творческо-исполнительские работы за последние 5 лет или с момента последнего избрания по конкурсу:

№ п/п	Наименование трудов	Рукопись или печатные	Название издательства, журнала (номер, год) или номер авторского свидетельства	Количество печатных листов или страниц	Фамилия соавторов работ
1	2	3	4	5	6
1.	A significant transmission bottleneck among newly and recently HIV-1-infected IDU in St. Petersburg, Russia.	печатные	Abstracts of 17th Conference on Retroviruses and Opportunistic Infections, 2010, San Francisco, USA.- #477.	1	E. Dukhovlina, A. Masharsky, S. Verevochkin, A. Shevchenko, O. Toussova, R. Skochilov, J. Anderson, M. Cohen, R. Swanstrom, A. Kozlov.
2.	Prevalence and incidence of HIV infection among IDUs in St. Petersburg, Russia.	печатные	Russian Journal of AIDS, cancer and public health.-2010.- V.14.-№1.-p.57-58	1	Verevochkin S.V., Gagarina S.Yu., Shevchenko A.K., Skochilov R.V., Shaboltas A.V., Toussova O.V., Kozlov A.P.
3.	The search of acute and early HIV infection cases.	печатные	Russian Journal of AIDS, cancer and public health.-2010.- V.14.-№1.-p.40.	1	Verevochkin S.V., Gagarina S.Yu., Shevchenko A.K., Skochilov R.V., Shaboltas A.V., Toussova O.V., Kozlov A.P.
4.	Genome Associations Discovery. Part 1: Statistical Method.	печатные	Computer Methods in Education. ISSN: 2077-7647, 2013,- №5,-p17-32.	16	Sergey V. Malov, Andrey K. Shevchenko, Stephen J. O'Brien.

5.	Genome Associations Discovery. Part 2: Multiple Testing Problem, Computer Tools and Applications.	печатные	Computer Methods in Education. ISSN: 2071-2340, 2013,- №6,-p.3-17.	15	Sergey V. Malov, Andrey K. Shevchenko, Stephen J. O'Brien.
----	---	----------	--	----	--

7. Наиболее значимые работы за предшествующие годы (указываются по усмотрению претендента)

№ п/п	Наименование трудов	Рукопись или печатные	Название издательства, журнала (номер, год) или номер авторского свидетельства	Количество печатных листов или страниц	Фамилия соавторов работ
1	2	3	4	5	6
1.					
2.					
3.					
4.					

8.

Индекс Хирша РИНЦ 0

Индекс Хирша Web of Science Core Collection 0

Индекс Хирша Scopus 0

Количество публикаций в базах данных 0

Количество публикаций в базах данных Web of Science Core Collection, 0

Количество публикаций в базах данных Scopus 0

9. Сведения об аспирантах и соискателях, защитивших диссертации под научным руководством претендента

Количество аспирантов\докторантов	Тема диссертационного исследования	Научная специальность	Дата защиты
<b>Кандидатские диссертации</b>			
<b>Докторские диссертации</b>			

10. Сведения об участии в научно-исследовательских проектах, программах, грантах (за последние 5 лет или с момента последнего избрания по конкурсу):

- а) Исполнитель Гранта Правительства РФ для поддержки научных исследований, проводимых под руководством ведущих учёных в российских учреждениях высшего профессионального образования. Научное исследование по направлению "Биология. Биоинформатика. Биомедицинские технологии. Этика. Охрана природы"  
 Договор N 11.G34.31.0068  
 Номер гранта в системе СПбГУ 1.34.1777.2011

- б) Исполнитель гранта «Изучение медицински-значимых геномных детерминант превалирующих в населении РФ». НИР из средств СПбГУ. Мероприятие 1/14. Проведение фундаментальных исследований по актуальной междисциплинарной тематике (комплексные проекты)  
Шифр 1.37.173.2014

11. Сведения об экспертной деятельности (членство в диссертационных советах, Экспертном совете ВАК, научно-технических советах РАН, иных советах):

---

---

12. Сведения о членстве в редколлегиях научных журналов, оргкомитетах научных конференций:

---

---

13. Сведения о почетных и академических званиях, международных, государственных, академических и иных премиях, победах в международных и всероссийских конкурсах:

---

---

14. Иные сведения о научно-педагогической/творческо-исполнительской деятельности (по усмотрению претендента)

До 2012 года занимался изучением генетических особенностей ВИЧ. С 2012 года работаю в лаборатории «Центр геномной биоинформатики им. Ф.Добржанского» по нескольким направлениям.

С 2012 года занимаюсь исследованием человеческих генетических факторов ответственных за эффективность инфицирования ВИЧ и динамику развития ВИЧ-инфекции. Текущая тема кандидатской диссертации «Исследование генетических полиморфизмов человека, влияющих на эффективность заражения ВИЧ и развитие СПИД» напрямую связана с данным исследованием. В рамках данной работы провожу анализ данных полногеномного секвенирования и генотипирования участников когорт в Ботсване и США с целью выявления генетических детерминант связанных с эффективностью заражения ВИЧ и динамикой развития ВИЧ-инфекции. Также веду исследование генетических детерминант ответственных за вероятность появления нозофаренгиальной карциномы на данных Китайской когорте.

Помимо этого, в области популяционной генетики человека, в рамках гранта «Изучение медицински-значимых геномных детерминант превалирующих в населении РФ» занимаюсь исследованием генетического разнообразия населения РФ, построением карт гаплотипов, изучением распространенности медицински-значимых геномных детерминант превалирующих в населении РФ.

В области генетики животных принимаю участие в аннотации генома кошки и других млекопитающих.

Основную часть вышеизложенной работы представляет биоинформатическая составляющая, а именно работа с большими объемами данных с применением знаний в области популяционной генетики навыков программирования на языках Python и R (переформатирование данных, написание фильтров, сортировка данных, обнаружение сигнала, работа с базами данных...).