

**Сведения  
об участнике конкурса  
на замещение должности научно-педагогического работника**

ФИО (полностью) Добрынин Павел Владимирович

Замещаемая должность, доля ставки

Младший научный сотрудник, ставка 1.0

Кафедра (подразделение) лаборатория "Центр геномной биоинформатики им ФГ Добржанского"

Дата объявления конкурса 19.06.2014

1. Место работы в настоящее время (организация, должность) СПбГУ, лаборатория "Центр геномной биоинформатики им ФГ Добржанского", младший научный сотрудник
2. Ученая степень (с указанием научной специальности)
3. Ученое звание
4. Стаж научно-педагогической работы 1 год, стаж работы по специальности 9 лет
5. Общее количество опубликованных работ 6
6. Научные, учебно-методические, творческо-исполнительские работы за последние 5 лет или с момента последнего избрания по конкурсу:

№ п/п	Наименование трудов	Рукопись или печатные	Название издательства, журнала (номер, год) или номер авторского свидетельства	Количество печатных листов или страниц	Фамилия соавторов работ
1	2	3	4	5	6
1.	Molecular genetic analysis of Mycobacterium tuberculosis strains spread in different patient groups in St. Petersburg, Russia	печатная	European journal of clinical microbiology & infectious diseases 31 (8), 2012	3	E Chernyaeva, P Dobrynin, N Pestova, N Matveeva, V Zhemkov, A Kozlov
2.	The Novelty of Human Cancer/Testis Antigen Encoding Genes in Evolution	печатная	International Journal of Genomics, 2013	4	P Dobrynin, E Matyunina, SV Malov, AP Kozlov
3.	OL-051 Molecular-genetic analysis of drug-resistant Mycobacterium tuberculosis strains in St. Petersburg (Russia)	печатная	International Journal of Infectious Diseases (14), 2010	2	E Chernyaeva, N Pestova, P Dobrynin, N Matveeva, V Zhemkov, A Kozlov
4.	Genome-wide Mycobacterium tuberculosis variation (GMTV) database: a new tool for integrating sequence variations and epidemiology	печатная	<b>BMC Genomics 15 (1), 2014</b>	2	EN Chernyaeva, MV Shulgina, MS Rotkevich, PV Dobrynin,

5	141 Gene Discovery and Data Sharing in Genome Wide Association Analyses: lessons form AIDS genetic restriction genes	печатная	<b>JAIDS Journal of Acquired Immune Deficiency Syndromes</b>	3	SA Simonov SJ O'Brien, A Svitin, S Malov, N Cherkazov, P Dobrynin, P Geerts
---	--	----------	--	---	---

7. Наиболее значимые работы за предшествующие годы (указываются по усмотрению претендента)

№ п/п	Наименование трудов	Рукопись или печатные	Название издательства, журнала (номер, год) или номер авторского свидетельства	Количество печатных листов или страниц	Фамилия соавторов работ
1	2	3	4	5	6
1.					
2.					
3.					
4.					

#### 8. Индекс Хирша РИНЦ 2

Индекс Хирша Web of Science Core Collection, 2

Индекс Хирша Scopus 2

Количество публикаций в базах данных РИНЦ, 4

Количество публикаций в базах данных Web of Science Core Collection, 4

Количество публикаций в базах данных Scopus 4

9. Сведения об аспирантах и соискателях, защитивших диссертации под научным руководством претендента

Количество аспирантов\докторантов	Тема диссертационного исследования	Научная специальность	Дата защиты
<b>Кандидатские диссертации</b>			
<b>Докторские диссертации</b>			

10. Сведения об участии в научно-исследовательских проектах, программах, грантах (за последние 5 лет или с момента последнего избрания по конкурсу):

Один из исполнителей в Гранте Правительства РФ для поддержки научных исследований, проводимых под руководством ведущих учёных в российских учреждениях высшего профессионального образования. Научное исследование по направлению "Биология. Биоинформатика. Биомедицинские технологии. Этика. Охрана природы"

Договор N 11.G34.31.0068

Номер гранта в системе СПбГУ 1.34.1777.2011

Один из исполнителей в гранте Изучение медицински-значимых геномных детерминант превалярующих в населении РФ. НИР из средств СПбГУ. Мероприятие 1/14. Проведение фундаментальных исследований по актуальной междисциплинарной тематике (комплексные проекты)

Шифр 1.37.173.2014

11. Сведения об экспертной деятельности (членство в диссертационных советах, Экспертном совете ВАК, научно-технических советах РАН, иных советах):

---



---

12. Сведения о членстве в редколлегиях научных журналов, оргкомитетах научных конференций:

---



---

13. Сведения о почетных и академических званиях, международных, государственных, академических и иных премиях, победах в международных и всероссийских конкурсах:

---



---

14. Иные сведения о научно-педагогической/ творческо-исполнительской деятельности (по усмотрению претендента)

Моя выпускная квалификационная работа в бакалавриате была посвящена изучению системы тройственного симбиоза. В ходе выполнения этой работы я познакомился с базовыми методами работы с последовательностями ДНК и филогенетики. В магистратуре я продолжил работать с данными по секвенированию и успешно выполнил работу по анализу лекарственно устойчивого туберкулеза в популяции Санкт-Петербурга. Наличие опыта по секвенированию и компьютерному анализу данных, позволило поступить на 2012 году в лабораторию Центр геномной биоинформатики им ФГ Добржанского. С самого начала моим основным проектом было изучения генома и популяции африканских гепардов. В ходе работы я освоил такие языки программирования как R, Python, MySQL. В мае 2013 я участвовал в спецкурсе по популяционной биологии в южной Африке, который был организован американской ассоциацией генетиков совместно с университетом Претории для подготовки специалистов в области сохранения видов. В ноябре 2013 была стажировка в крупнейшем китайском биоинформатическом центре BGI в городе Шеньжень, связанная с выполнением текущего проекта по секвенированию генома гепарда.

<p>М.В. Мухоморова генетический анализ и биоинформатика в Мycobacterium tuberculosis (H37Rv) в Санкт-Петербурге (Россия)</p>	<p>2012-2013</p>	
<p>Стажировка в биоинформатическом центре BGI (TV) в городе Шеньжень для изучения новых методов секвенирования генома</p>	<p>2013</p>	